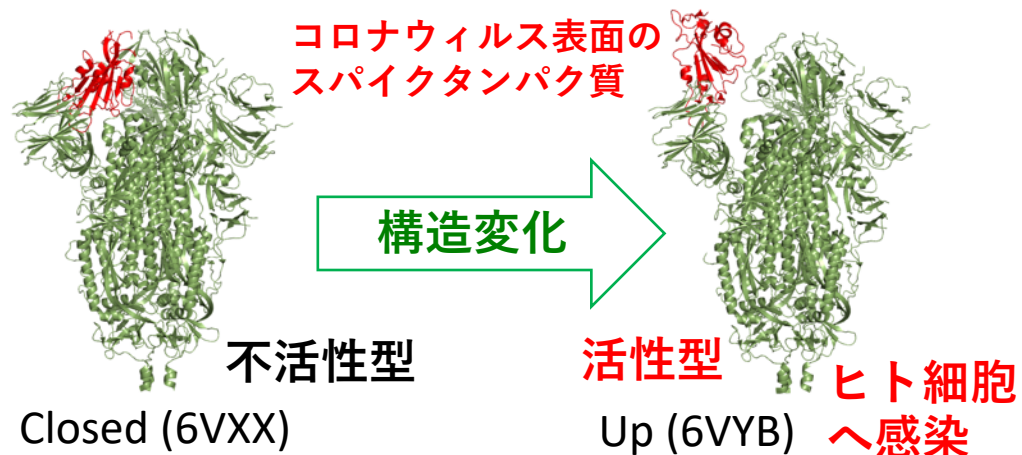


クライオ電顕による立体構造解析



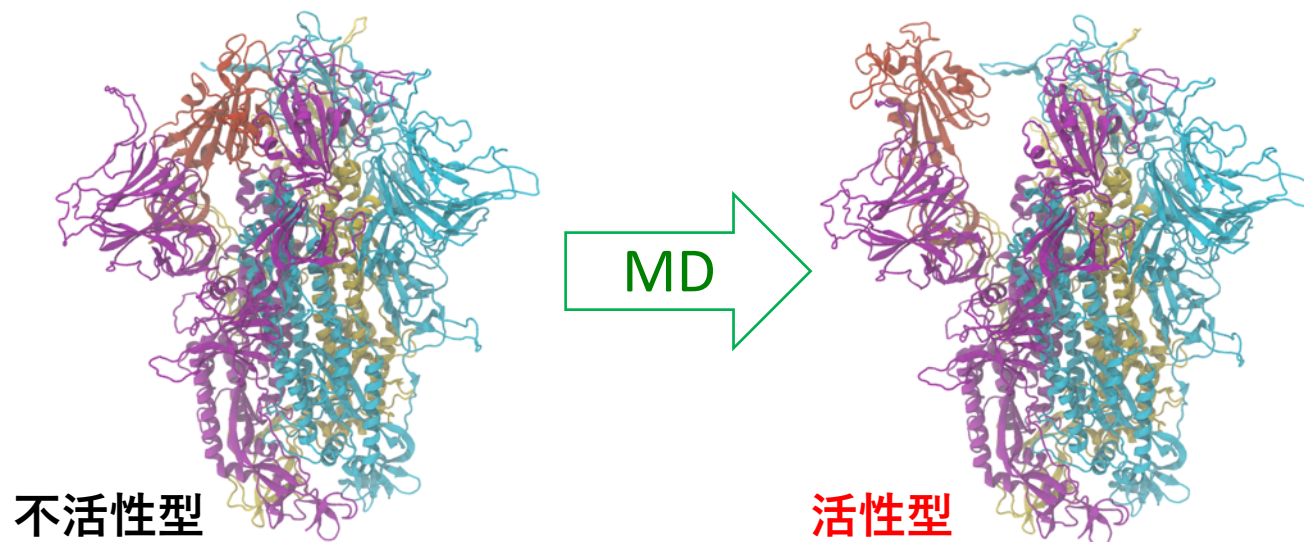
Closed (6VXX)のみの構造情報を用いてRBD部分の分子運動を加速(分子動力学 (MD))

理研杉田グループで開発した
ソフトウェアGENESISを利用する

「富岳」を用いたシミュレーションによる予測

Closed (計算の初期構造)

Open (計算の途中構造)



(研究目標)
構造変化を抑える薬剤の開発に貢献する